

PCT

世界知的所有権機関
国際事務局

特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(51) 国際特許分類6 C12N 15/11, C12Q 1/68 // G01N 33/566	A1	(11) 国際公開番号 WO 95/14772
		(43) 国際公開日 1995年6月1日 (01.06.95)
(21) 国際出願番号 PCT/JP94/01916 (22) 国際出願日 1994年11月11日(11.11.94) (30) 優先権データ 特願平5/355504 1993年11月12日(12.11.93) JP (71) 出願人: および (72) 発明者 松原謙一(MATSUBARA, Kenichi)[JP/JP] 〒565 大阪府吹田市山田東3-18-1-804 Osaka, (JP) 大久保公策(OKUBO, Kousaku)[JP/JP] 〒562 大阪府箕面市瀬川2-11-26 Osaka, (JP) (74) 代理人 弁理士 吉田研二, 外(YOSHIDA, Kenji et al.) 〒180 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 Tokyo, (JP)	(81) 指定国 AM, AU, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CZ, EE, FI, GE, HU, JP, KG, KR, KZ, LK, LR, LT, LV, MD, MG, MN, NO, NZ, PL, RO, RU, SI, SK, TJ, TT, UA, US, UZ, VN, 欧州特許(AT, BE, CH, DE, DK, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許(KE, MW, SD, SZ).	添付公開書類 国際調査報告書 補正書 <div data-bbox="974 724 1380 955"></div>
(54) Title : GENE SIGNATURE		
(54) 発明の名称 ジーン・シグナチャー		
(57) Abstract		
<p>A 3'-directed cDNA library which accurately reflects the abundance ratio of mRNA in a cell has been prepared from various human tissues, and sequencing of the cDNAs contained in the library has been conducted to examine the incidence of each cDNA in each tissue. As each cDNA has expression information with each tissue corresponding to the mRNA concentration, these cDNAs are usable as a probe or primer for detecting cell anomaly or discriminating cells. The cloned gene can produce proteins utilizable as a medicine or the like.</p>		

種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3'指向cDNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれるcDNAを配列決定し、組織毎の各cDNAの出現頻度を調べた。各cDNAにはmRNA濃度に対応する組織毎の発現情報が付加されているので、該cDNAは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。またクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質を産生可能である。

情報としての用途のみ

PCTに基づいて公開される国際出願をパンフレット第一頁にPCT加盟国を同定するために使用されるコード

AM	アルメニア	EE	エストニア	LK	スリランカ	RU	ロシア連邦
AT	オーストリア	ES	スペイン	LR	リベリア	RD	ロンドン
AU	オーストラリア	FI	フィンランド	LT	リトアニア	SE	スウェーデン
BB	バルバドス	FR	フランス	LU	ルクセンブルグ	SG	シンガポール
BE	ベルギー	GA	ガボン	LV	ラトヴィア	SI	スロベニア
BG	ブルガリア	GB	イギリス	MC	モナコ	SK	スロバキア共和国
BJ	ベナン	GE	グルジア	MD	モルドバ	SN	セネガル
BR	ブラジル	GN	ギニア	MG	マダガスカル	SZ	スワジランド
BY	ベラルーシ	GR	ギリシャ	ML	マリ	TD	チャド
CA	カナダ	HU	ハンガリー	MN	モンゴル	TG	トーゴ
CC	中央アフリカ共和国	IE	アイルランド	MR	モリタニア	TM	タジクスタン
CG	コンゴ	IS	アイスランド	MW	モザンビーク	TT	トリニダード・トバゴ
CH	スイス	IT	イタリア	MX	メキシコ	UA	ウクライナ
CI	コート・ジボアール	JP	日本	NE	ニジェール	UG	ウガンダ
CM	カメルーン	KE	ケニア	NL	オランダ	US	米国
CN	中国	KP	朝鮮民主主義人民共和国	NZ	ニュージーランド	UZ	ウズベキスタン共和国
CZ	チェコ共和国	KR	大韓民国	PI	ポーランド	VN	ベトナム

CATGAGCCAC TGTGTCCGAC CCANACCTAC TANTGTAAAT NGANNTTTTN TTAACNN 238

配列番号 : 5305

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS06329

配列 :

GATCAACAGA GTGAGACCCC TGTCTATATA TTNNTTAAAT TTAAAAATA AAAGANTAAA 60
ATTGTGTAGC TCAGTATAGT ATCAAGATTA ATCTGCCTAC TCACATTTCT AACTTTTATA 120
NNANTGTAAT AN 132

配列番号 : 5306

配列の長さ : 293

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS06330

配列 :

GATCCAGCCA TNACTAACCT ATNCCNNTTT TGGGGAAATC TGAGCCTAGC TCAGAAAAAC 60
ATAAAGCACC TTGAAAAAGA CTTGGCAGCT TCCNGATAAA GCGTGTGTG CTGTGCAGTA 120
GGANCACATC CTATTTATTG TGATGTTGTG GTTTTATTAT CTTAACTCT GNTCCATACA 180
CTTGATATAA TACATGGATA TTTTATGTA CAGAGGTATG TCTCTTAACC AGTTCCTTA 240
TTGTNCTCTG GCAATTAAA NGANNGTCAG TAAATTNTT TNCTGTNAA AGN 293

配列番号 : 5307

配列の長さ : 228

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS06331

配列 :

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGC CTTGAGGATA 60
ACCTNCACTG TAATAGCCTA AACACANCTC TAATTTACTT ACAGCCTTAT GTTTTTGTAT 120
TGNCTTGGTA GACTAGGTAA TTTTTTTTAA AAGGNCAGGN GACGGNTATT TTAAAGNCCA 180
ATTTGTTCTA CGTAGCATNT TAACTAGTTT TNNTGCCAGC NATGTTGN 228

配列番号 : 5308

配列の長さ : 113

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS06332

配列 :

GATCCCTGAA GTTGCCCTGG TCTCTGCACC TTCTAAACCT AGTTCTTAAG AGCTTTCCAT 60
TACATGAGCT GTCTCAAAGC CCTCCAATAA ATTCTCAGTG TAAGCTTCTG AAA 113

配列番号 : 5309

RECEIVED

AUG 07 2002

RECEIVED
TECH CENTER 1600/2900
02 JUL 30 AM 8:57

;ID T24306 standard; cDNA to mRNA; 293 BP.
;XX
;AC T24306;
;XX
;DT 22-SEP-1996 (first entry)
;XX
;DE Human gene signature HUMGS06330.
;XX
;KW Gene signature; messenger RNA; mRNA; relative abundance; frequency;
;KW human; cloning; mapping; non-biased library; diagnosis; detection;
;KW cell typing; abnormal cell function; ss.
;XX
;OS Homo sapiens.
;XX
;PN WO9514772-A1.
;XX
;PD 01-JUN-1995.
;XX
;PF 11-NOV-1994; 94WO-JP01916.
;XX
;PR 12-NOV-1993; 93JP-0355504.
;XX
;PA (MATS/) MATSUBARA K.
;PA (OKUB/) OKUBO K.
;XX
;PI Matsubara K, Okubo K;
;XX
;DR WPI; 1995-206931/27.
;XX
;PT Identifying gene signatures in 3'-directed human cDNA library - e.g.
;PT for diagnosis of abnormal cell function, by preparing cDNA that
;PT reflects relative abundance of corresp. mRNA in specific human
;PT tissues
;XX
;PS Claim 1; Page 1579; 2245pp; Japanese.
;XX
;CC A single-stranded DNA (or its complementary strand or the corresp.
;CC double-stranded DNA) which comprises one of the 7837 "GS" sequences
;CC given in T19001-T26837 and which is able to hybridise to part of
;CC human genomic DNA, cDNA or mRNA is claimed. The GS (Gene Signature)
;CC sequences were obtained from 3'-directed cDNA libraries prepared
;CC from various human tissues; synthesis of cDNA was initiated from the
;CC 3'-end of mRNA by using poly(T) as the sole primer. Since the 3'-
;CC untranslated sequence is unique to a particular mRNA species, almost
;CC all the 3'-oriented cDNAs hybridise with specific mRNAs. Each library
;CC is constructed so as to reflect accurately the relative abundance of
;CC different mRNAs in the particular tissue from which it was derived.
;CC The appearance frequency of a given GS in a cDNA library can be
;CC determined (esp. using primers and probes derived from the GS
;CC sequences) as a means of diagnosing abnormal cell function or for
;CC recognising different cell types.
;XX
;SQ Sequence 293 BP; 81 A; 51 C; 51 G; 95 T; 15 other;
;
;
PSN_T24306
gatccagccatnactaacctatnccnnttttggggaaatctgagcctagctcagaaaaacataaagcacc
ttgaaaaagacttggcagcttccngataaagcgtgctgtgctgtgcagtaggancacatcctattttattg
tgatgttgtggttttattatcttaaactctgntccatacacttgtataaatacatggatatttttatgta
cagaggtatgtctcttaaccagttcacttattgtntctctggcaatttaaanganngtcagtaaattnttt
tncttgtnaaagn1

A1 - 09/706,968